

Table S25. Bayesian estimates of mutation-scaled effective population sizes (Θ) and asymmetric migration rates (M) among Pradu Hang Dam chicken derived from Phitsanulok 1 (PDH1), Phitsanulok 2 (PDH2), Chiang Mai (PDH3), Nakhon Pathom (PDH4), Nonthaburi (PDH5), and Samae Dam chicken derived from Department of Livestock Uthai Thani (SD1), and Sanhawat Farm Uthai Thani (SD2) based on 28 microsatellite loci generated in MIGRATE-N

Parameter	2.5%	25%	Mode	75%	97.5%
Θ _SD1	0.000	0.000	0.001	0.001	0.003
Θ _SD2	0.000	0.000	0.000	0.001	0.002
Θ _PDH1	0.096	0.098	0.099	0.099	0.100
Θ _PDH2	0.000	0.000	0.001	0.001	0.002
Θ _PDH3	0.000	0.000	0.000	0.001	0.002
Θ _PDH4	0.000	0.000	0.000	0.001	0.002
Θ _PDH5	0.000	0.000	0.001	0.002	0.003
M_SD2->SD1	0.000	1.330	7.000	12.670	23.330
M_PDH1->SD1	0.000	7.330	15.000	22.000	32.000
M_PDH2->SD1	0.000	5.330	12.330	18.670	28.670
M_PDH3->SD1	0.000	1.330	7.670	13.330	24.000
M_PDH4->SD1	0.000	3.330	10.330	16.670	28.000
M_PDH5->SD1	0.000	2.670	9.000	14.670	25.330
M_SD1->SD2	5.330	45.330	57.000	68.000	80.000
M_PDH1->SD2	2.670	14.000	22.330	30.000	42.670
M_PDH2->SD2	0.000	1.330	7.670	13.330	24.670
M_PDH3->SD2	0.000	2.670	9.670	15.330	27.330
M_PDH4->SD2	0.000	0.000	2.330	8.670	20.000
M_PDH5->SD2	0.000	2.670	9.000	14.670	24.670
M_SD1->PDH1	0.000	2.670	9.000	14.670	24.670
M_SD2->PDH1	2.670	12.670	20.330	28.000	37.330
M_PDH2->PDH1	0.000	2.670	9.670	15.330	28.000
M_PDH3->PDH1	0.000	8.000	15.670	22.670	32.000
M_PDH4->PDH1	0.000	7.330	15.000	22.000	31.330
M_PDH5->PDH1	0.000	4.670	11.670	18.000	27.330
M_SD1->PDH2	178.000	241.330	255.000	271.330	298.670
M_SD2->PDH2	51.330	65.330	75.670	84.670	116.000
M_PDH1->PDH2	0.000	0.000	8.330	20.670	30.670
M_PDH3->PDH2	740.000	759.330	777.670	796.670	881.330
M_PDH4->PDH2	116.000	140.670	150.330	159.330	177.330
M_PDH5->PDH2	57.330	82.000	91.670	102.000	132.000
M_SD1->PDH3	0.000	8.000	18.330	28.670	58.000
M_SD2->PDH3	0.000	4.000	10.330	16.670	26.670
M_PDH1->PDH3	0.000	7.330	15.000	22.000	33.330
M_PDH2->PDH3	77.330	88.670	97.670	106.670	118.000
M_PDH4->PDH3	122.670	142.670	155.670	168.000	226.000
M_PDH5->PDH3	34.000	50.000	59.000	66.670	81.330
M_SD1->PDH4	6.000	17.330	25.000	33.330	44.670
M_SD2->PDH4	0.000	2.000	8.330	14.000	24.000
M_PDH1->PDH4	0.000	8.670	16.330	23.330	32.670
M_PDH2->PDH4	0.000	3.330	10.330	16.000	27.330
M_PDH3->PDH4	0.000	19.330	35.000	44.000	62.670

Parameter	2.5%	25%	Mode	75%	97.5%
M_PD5->PD4	0.000	7.330	15.000	22.000	33.330
M_SD1->PD5	0.000	8.670	16.330	23.330	32.670
M_SD2->PD5	0.000	7.330	15.000	22.000	30.670
M_PD1->PD5	0.000	8.670	17.000	24.670	36.670
M_PD2->PD5	9.330	24.000	35.000	46.670	90.670
M_PD3->PD5	6.670	13.330	27.000	40.000	47.330
M_PD4->PD5	255.330	302.670	322.330	339.330	357.330